

检验人员正在观察被流感病毒感染细胞生长状态



同向而行

美美与共

庆祝平顶山晚报创刊三十周年

编辑 南朋英 校对 海飞

市疾病预防控制中心：

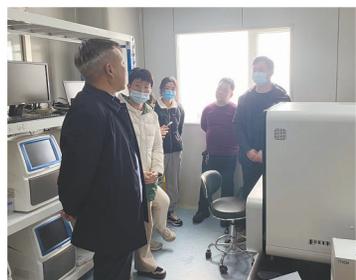
高质量推进多病原谱综合分析实验室建设

□本报记者 王春霞
通讯员 郭晏强 张子赫 文/图

近年来,平顶山市疾病预防控制中心以传染病监测项目开展为依托,逐步积累人才、技术、设备三方面优势,致力于开辟多病原谱检测检验新发展路径,探索利用基因测序等分子生物学检测技术开展病原学检测和分析,解决群众就医需求。现已逐步构建起多病原综合分析网络,实现了疾病临床特征信息、流行病学信息、病原检测信息、诊疗信息等资源融合和协同利用,形成了涵盖医疗、疾控等部门的多病原监测预警机制及平台。



市疾控中心购置的基因测序仪



平顶山市首次基因测序实验圆满成功



检验人员正在进行新冠测序工作

1 关注热点,设立哨点,建立预警分析机制

2023年秋冬季,呼吸道疾病进入高发期,支原体、流感、呼吸道合胞病毒轮番登上“热搜”。

市疾控中心迅速反应,主动作为,密切关注我市呼吸道疾病流行趋势、病原体构成变化等情况。2023年10月下旬,

市卫健委召开市直医疗机构、各级疾控机构共同参加的呼吸道疾病防控工作交流座谈会后,市疾控中心积极协调市、县级医院设置监测哨点,依托致病菌识别网开展呼吸道多病原筛查工作,筛查项目包含流感病毒、呼吸道合胞病

毒、肺炎链球菌、肺炎支原体等数十种病原体,及时获得我市呼吸道疾病病原的构成及年龄分布。目前,市疾控中心已开展18种病原核酸的筛查工作,为我市急性呼吸道病原筛查预警机制建立了坚实基础。

2 盯住难点,形成合力,打造监测平台

多病原检测的顺利开展得益于疾控系统和临床医疗机构的密切配合,双方合力打破“一病一监”的“直筒状”监测模式,采用“一样多检”的方式扩展疾病病原的筛查广度,动态掌握我市呼吸道病原谱特征及实时

变化规律。通过多病原筛查数据分析,得出了各类病原在我市不同年龄人群中流行情况,初步勾勒出平顶山地区呼吸道疾病病原谱,为我市优化调整相关疾病防控政策提供科学依据;同时,为临床诊断提供指

引,也为临床医生鉴别诊断疾病、精准识别混合感染风险、开展有效治疗提供帮助。下一步工作中,市疾控中心将根据各病原流行特点,扩大多病原筛查覆盖范围,逐步将检测扩展到54种病原体。

3 占领制高点,利用先进技术,填补区域空白

呼吸道多病原筛查工作是市疾控中心创新落实医防协同、医防融合机制的一项举措。目前,市疾控中心流感病毒网络、新冠病毒网络、致病菌识别网等监测工作样本均来自医疗机构,且都平稳运行。医院门急诊根据典型症状、初步检测等确定相应病原感染,将样本送至市

疾控中心进行病原筛查、亚型鉴定、分离培养、耐药性分析、基因序列测定等检测。其中,基因序列测定技术已应用于新冠变异株监测、流感变异监测、致病菌识别网,及时识别菌毒株变异位点;流感等病毒分离培养可以鉴别毒株毒力,一旦发现传播力及毒力显著增强的菌毒株,可以第

一时间预警。市疾控中心后期将逐步开发16S测序、外显子测序、甲基化测序能力,将基因测序技术应用至真菌、细菌、病毒所有微生物鉴别以及动植物和人类基因筛查,探索利用基因分析等分子生物学手段,为患者提供感染、肿瘤、妇幼等方面相关检测服务。

4 寻找突破点,不断扩大范围,开辟高质量发展新路径

市疾控中心将逐步开展肠道疾病综合监测、急性呼吸道感染综合监测、发热伴出血和神经系统症候群监测,创新构建传染病综合监测体系,实现“多病一监”和“一样多检”的监测布局,全面掌握各种症候群疾病病原谱构成,同时运用序列测定和PFGE等分子分析手段构建分子信息库,运用贴近临床的耐药性检测方法构建细菌耐药库。利用上述数据开展临床辅助诊断和辅助治疗,将不同病原体在临床特征和流行病学特征的差异及

时反馈给医疗机构用于鉴别诊断,耐药库信息则为临床用药提供有益参考。市疾控中心计划开展tNGS(多重靶向测序)及宏基因组测序。以第二代测序技术为依托,tNGS技术可以精准识别592种病原体特异基因以及122种毒力/耐药基因,而宏基因组可以无偏性地检测细菌、真菌、病毒、寄生虫等17500种病原体,指导临床靶向使用抗生素,协助感染的精准诊疗。

市卫健委党组成员、市疾控中心党委书记李爱军表示,

疾病预防控制体系是保护人民健康、保障公共卫生安全、维护经济社会稳定的重要保障。为贯彻落实党中央、国务院关于改革完善疾控体系的决策部署,推动疾控事业高质量发展和“健康中国”战略目标实现,我市疾控系统将遵循“预防为先、医防融合”的建设目标,高质量推进多病原谱综合分析实验室建设,携手临床医疗机构,共同为市民打通医疗服务“最后一公里”,赋能“精准医疗”,全力推进平顶山市健康卫生事业高质量发展!

T21

2024.1.1
星期一

平顶山晚报